

227.

ZNACZENIE POLIMORFIZMÓW 1G/2G ORAZ A/G REGIONU PROMOTOROWEGO GENU KOLAGENAZY ŚRÓDMIAŻSZOWEJ (MMP-1) DLA WYSTĘPOWANIA I PROGRESJI RAKA PIERSI

Przybyłowska K.¹, Kluczna A.,
Morawiec Z.², Kołacińska A.², Rykała J.,
Zadrozny M.³, Drzewoski J.⁴, Błasiak J.¹

¹Katedra Genetyki Molekularnej Uniwersytetu Łódzkiego, ul. Banacha 12/16, 90-237 Łódź,

²Oddział Chirurgii Onkologicznej Szpitala im. M. Kopernika w Łodzi, ul. Paderewskiego 4, 93-509 Łódź, ³Zakład Patomorfologii Klinicznej Instytut Centrum Zdrowia Matki Polki, ul. Rzgowska 281/289, 93-338 Łódź,

⁴Zakład Farmakologii Klinicznej Uniwersytetu Medycznego w Łodzi, ul. Rewolucji 1905 r. 37/39, 90-214 Łódź

Cel pracy: Celem przeprowadzonych badań było określenie znaczenia polimorfizmów 1G/2G oraz A/G regionu promotorowego genu MMP-1 dla występowania oraz progresji raka piersi.

Materiały i metodyka: Materiał stanowiły próbki krwi od pacjentek z rakiem piersi (n = 242). Kontrolą były próbki krwi pobrane od zdrowych kobiet (n = 250). Analizę wariantów polimorficznych przeprowadzono stosując metodę RFLP-PCR.

Wyniki: Stwierdzono znaczącą statystycznie zależność między występowaniem allelu 2G (OR = 1,43, 95% PU (1,05; 2,05)) i obecnością przerzutów w węzłach chłonnych. Ponadto wykazano znacząco wyższą częstość występowania allelu 2G w grupie pacjentek z nowotworami o wyższym stopniu zaawansowania wg skali Blooma-Richardsona (I^o/II^o OR = 2,18, 95% PU (1,08; 4,37); II^o /III^o OR = 2,34, 95% PU (1,16; 4,69)). Nie wykazano statystycznie istotnych różnic w częstością występowania alleli 1G i 2G oraz A i G między grupą badaną i kontrolną (p > 0,05).

Wnioski: Uzyskane wyniki wskazują, że allel 2G może być związany ze zwiększonym stopniem złośliwości nowotworów piersi oraz może sprzyjać powstawaniu przerzutów w okolicznych węzłach chłonnych. Sugeruje to, że polimorfizm 1G/2G regionu promotorowego genu

MMP-1 może być wykorzystany jako molekularny czynnik rokowniczy w raku piersi. Natomiast polimorfizmy 1G/2G oraz A/G regionu promotorowego genu MMP-1 mogą nie być związane z występowaniem raka piersi.

228.

POLIMORFIZM GENÓW NAPRAWY DNA JAKO CZYNNIK RYZYKA W RAKU PIERSI

Krupa R.¹, Morawiec Z.², Kołacińska A.,
Rykała J., Zadrozny M.³, Drzewoski J.⁴,
Błasiak J.¹

¹Katedra Genetyki Molekularnej Uniwersytetu Łódzkiego, ul. Banacha 12/16, 90-237 Łódź;

²Oddział Chirurgii Onkologicznej Szpitala im. M. Kopernika w Łodzi, ul. Paderewskiego 4, 93-509 Łódź; ³Zakład Patomorfologii Klinicznej Instytut Centrum Zdrowia Matki Polki, ul. Rzgowska 281/289, 93-338 Łódź;

⁴Zakład Farmakologii Klinicznej Uniwersytetu Medycznego w Łodzi, ul. Rewolucji 1905 r. 37/39, 90-214 Łódź

Cel pracy: Celem pracy było określenie stopnia ryzyka wystąpienia raka piersi związanego z polimorfizmem w genach naprawy DNA: Arg399Gln w genie XRCC1 oraz Thr241Met w genie XRCC3.

Materiał i metodyka: Materiał do badań stanowiły preparaty DNA izolowane z krwi obwodowej 102 pacjentek z rakiem piersi oraz 125 dobranych pod względem wieku kobiet, u których nie stwierdzono choroby nowotworowej. Genotypy Arg399Gln w genie XRCC1 oraz Thr241Met w genie XRCC3 oznaczono metodą PCR RFLP. Statystycznej oceny wyników dokonano metodą analizy logistycznej.

Wyniki: Stwierdzono zwiększone ryzyko wystąpienia raka piersi dla genotypu Met241Met w odniesieniu do pojedynczego genu XRCC3 oraz dla genotypów Arg399Arg i met241Met, Arg399Gln i Thr241Thr oraz Arg399Gln i Met241Met w kombinacji obu badanych genów.

Wnioski: Określone warianty polimorficzne genów XRCC1 i XRCC3 mogą być czynnikami ryzyka w przypadku raka piersi.